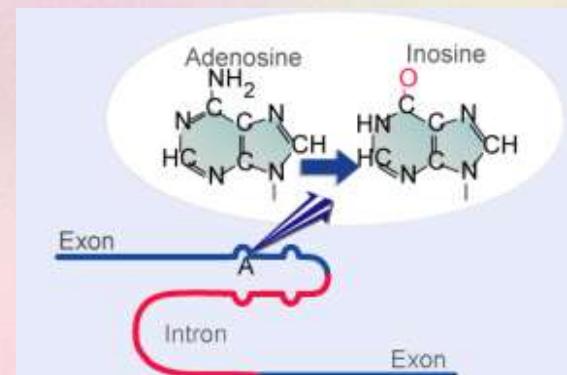




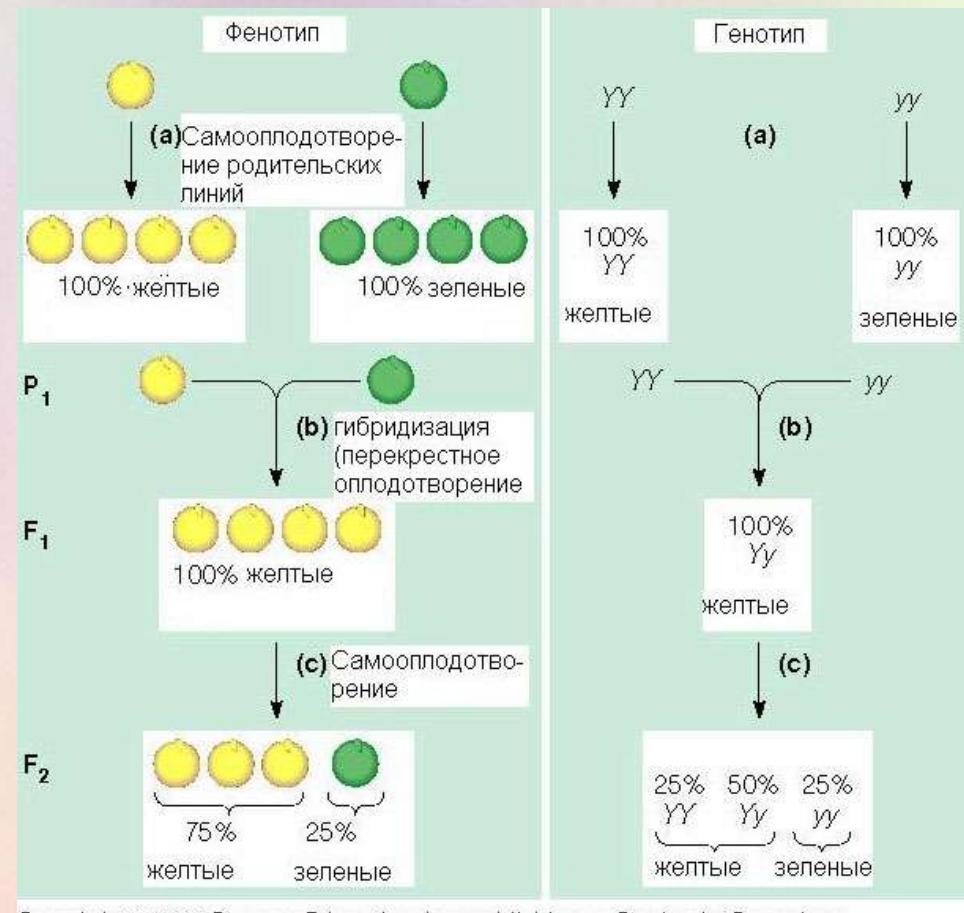
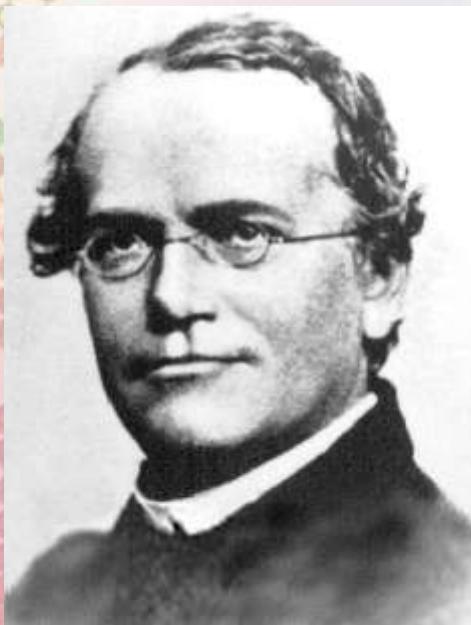
Главный редактор живых организмов

Почему редактирование РНК является столь важным для понимания всей биологии

Болдырев Алексей
МЦМФ НАНУ
alexey@biph.kiev.ua



Гены и признаки



Copyright © 2005 Pearson Education, Inc. publishing as Benjamin Cummings

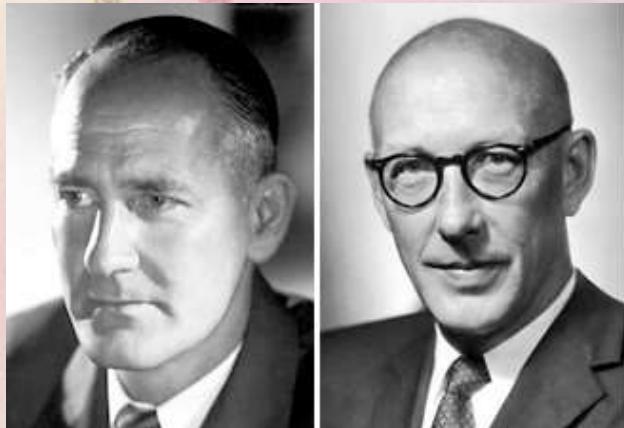
Один ген – один фермент

Люсьен Кено, мыши (1903)



Cuénot, L., L'Hérité de la pigmentation chez les souris. (5^e Note.) In:
Archives de Zoologie expérimentale et générale. p. I—XIII.

Verf. setzt seine Kreuzungsversuche mit Mäusen fort. Die einzelnen Kreuzungen, ein gelbes Männchen mit roten Augen und albinotisches Weibchen



George Wells
Beadle
(1903 - 1989)

Edward Lawrie
Tatum
(1909 - 1975)

Бидл и Татум, нейроспора (1941)

GENETIC CONTROL OF BIOCHEMICAL REACTIONS IN
NEUROSPORA*

By G. W. BEADLE AND E. L. TATUM

BIOLOGICAL DEPARTMENT, STANFORD UNIVERSITY

Communicated October 8, 1941

From the standpoint of physiological genetics the development and functioning of an organism consist essentially of an integrated system of chemical reactions controlled in some manner by genes. It is entirely



- От 27,462 до 153,478 генов у человека (CSH 2001)
- 22,333 – возможно. Но никто не знает точно
(биоинформатик [Steven Salzberg](#), октябрь 2010)

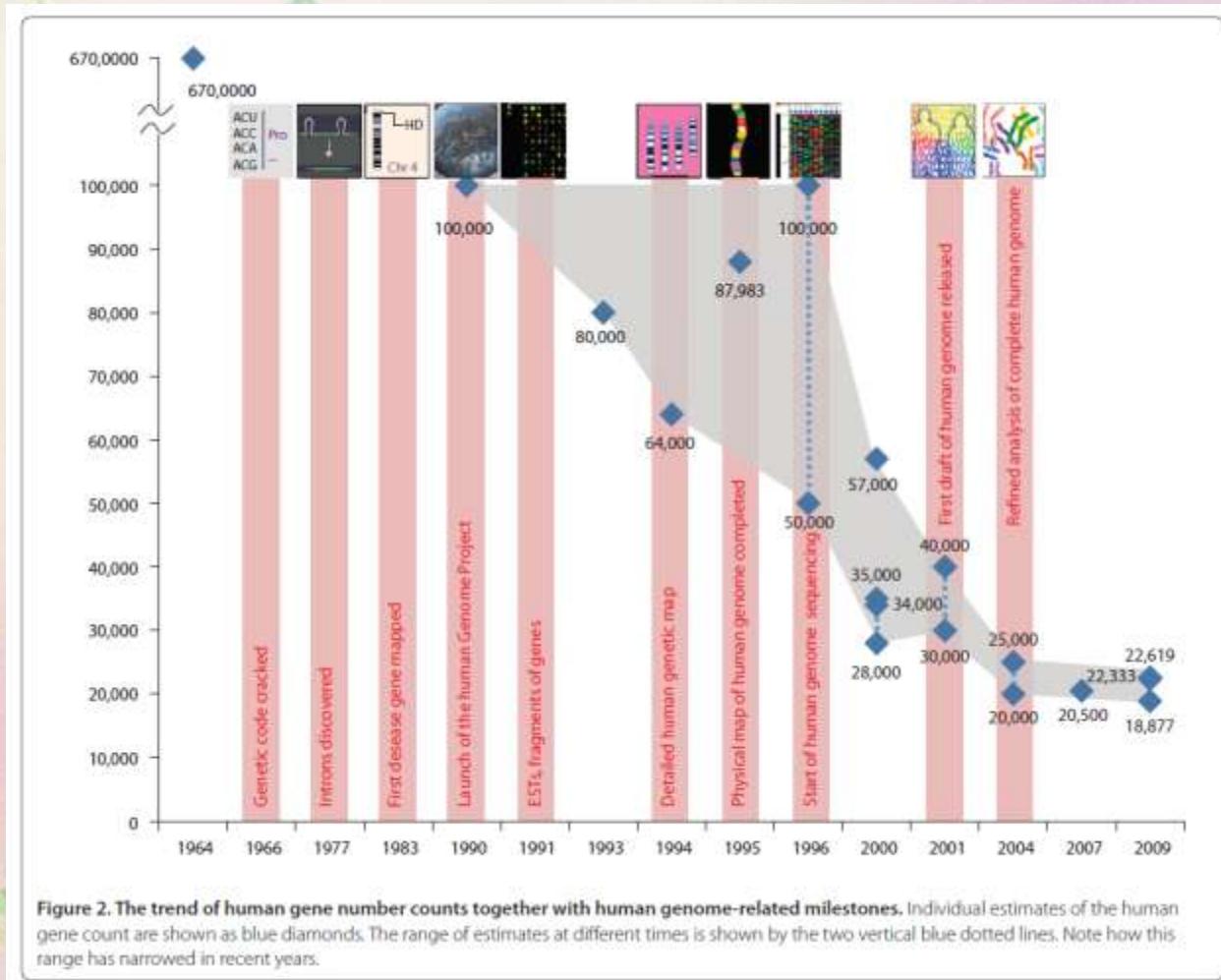
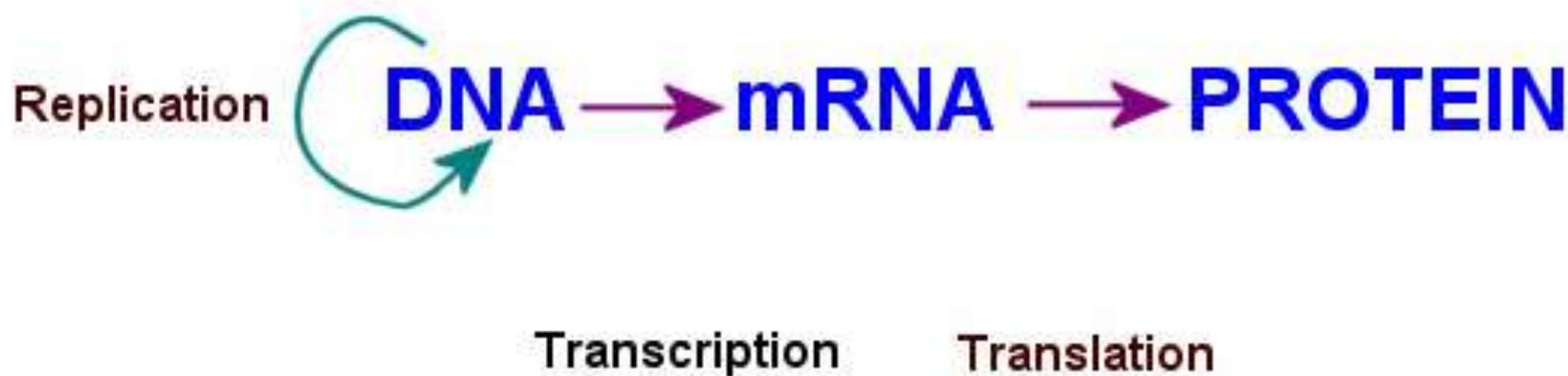


Figure 2. The trend of human gene number counts together with human genome-related milestones. Individual estimates of the human gene count are shown as blue diamonds. The range of estimates at different times is shown by the two vertical blue dotted lines. Note how this range has narrowed in recent years.

55 000 – 2 000 000 белков

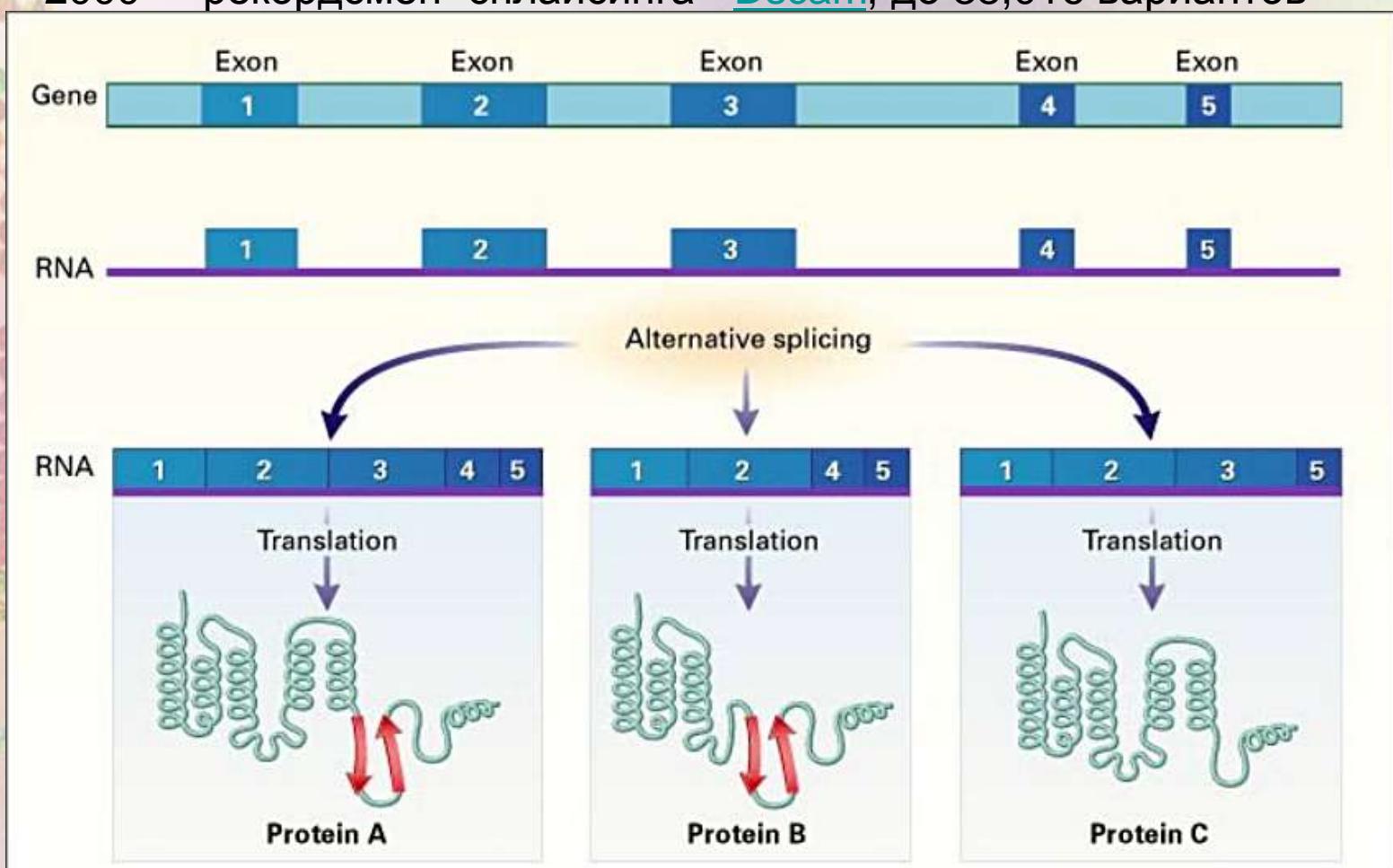
Как ДНК производит белки

**Central Dogma
of molecular biology**

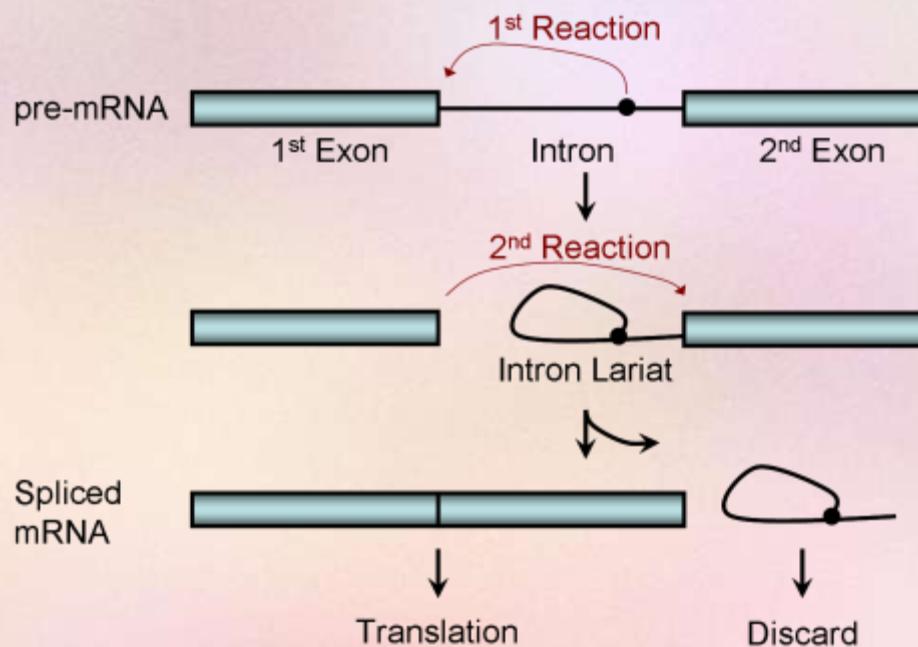
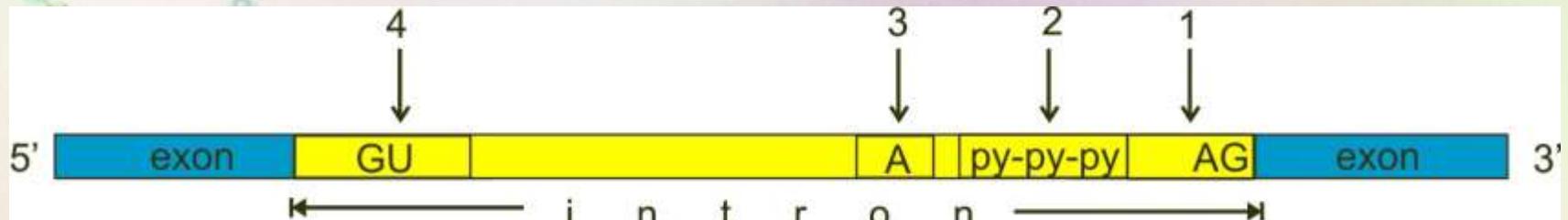


Альтернативный спlicing

- 1977 – адено-вирусы
- 1981 – кальцитонин
- 1981 – антитела
- 2000 – "рекордсмен" сплайсинга - [Dscam](#), до 38,016 вариантов

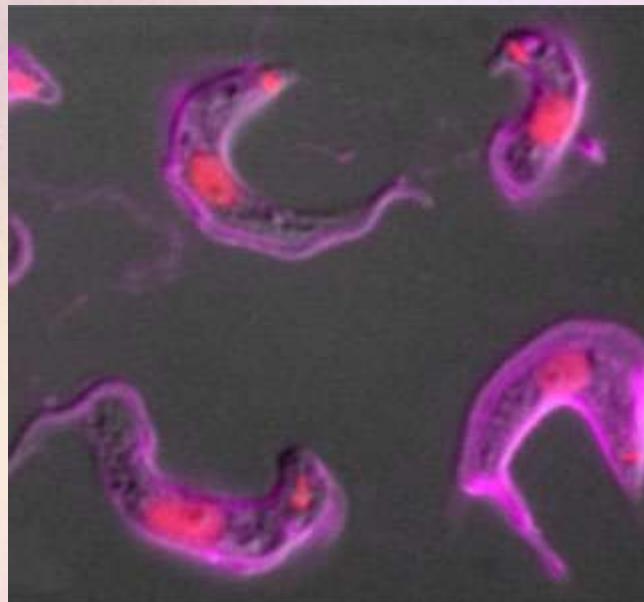


Механизм сплайсинга



Редактирование РНК – направленное изменение отдельных нуклеотидов в РНК после транскрипции

1986 Major transcript of the frameshifted coxII gene from trypanosome mitochondria contains four nucleotides that are not encoded in the DNA
Rob Benne, Janny Van Den Burg, Just P.J. Brakenhoff, Paul Sloof, Jacques H. Van Boom, Marijke C. Tromp



Типы редактирования РНК

Вставки
нуклеотидов

Замена
нуклеотидов

Делекции
нуклеотидов

A на I
(дезаминирование
аденина)

C на U
(дезаминирование
цитозина)

G на A,
U на C
и пр.



Механизм редактирования РНК у кинетопластид

Uridine insertions create a frameshift in mRNA

I S S L G I K V E N L V G V M Coded in genome
AUAUCAAGUUUAGGUUAAAAAGUAGA G A ACCUGGUAGGUGUAU DNA sequence

Coded in genome
DNA sequence

frameshift

AUAUCAAGUUUAGGUAAAAGUAGA UUGUAUACCUGGUAGGUGUAAU RNA sequence
 I S S L G I K V D C I P G R C N Protein sequence

RNA sequence
Protein sequence

©virtualtext www.ergito.com

CoxIII mRNA has extensive editing by both insertion and deletion of uridine

UUAUGUUUUGUGAUUAUGUGAUAGGUUGGUAGGUAGAUAAGGUAGAUAAGGUAGU

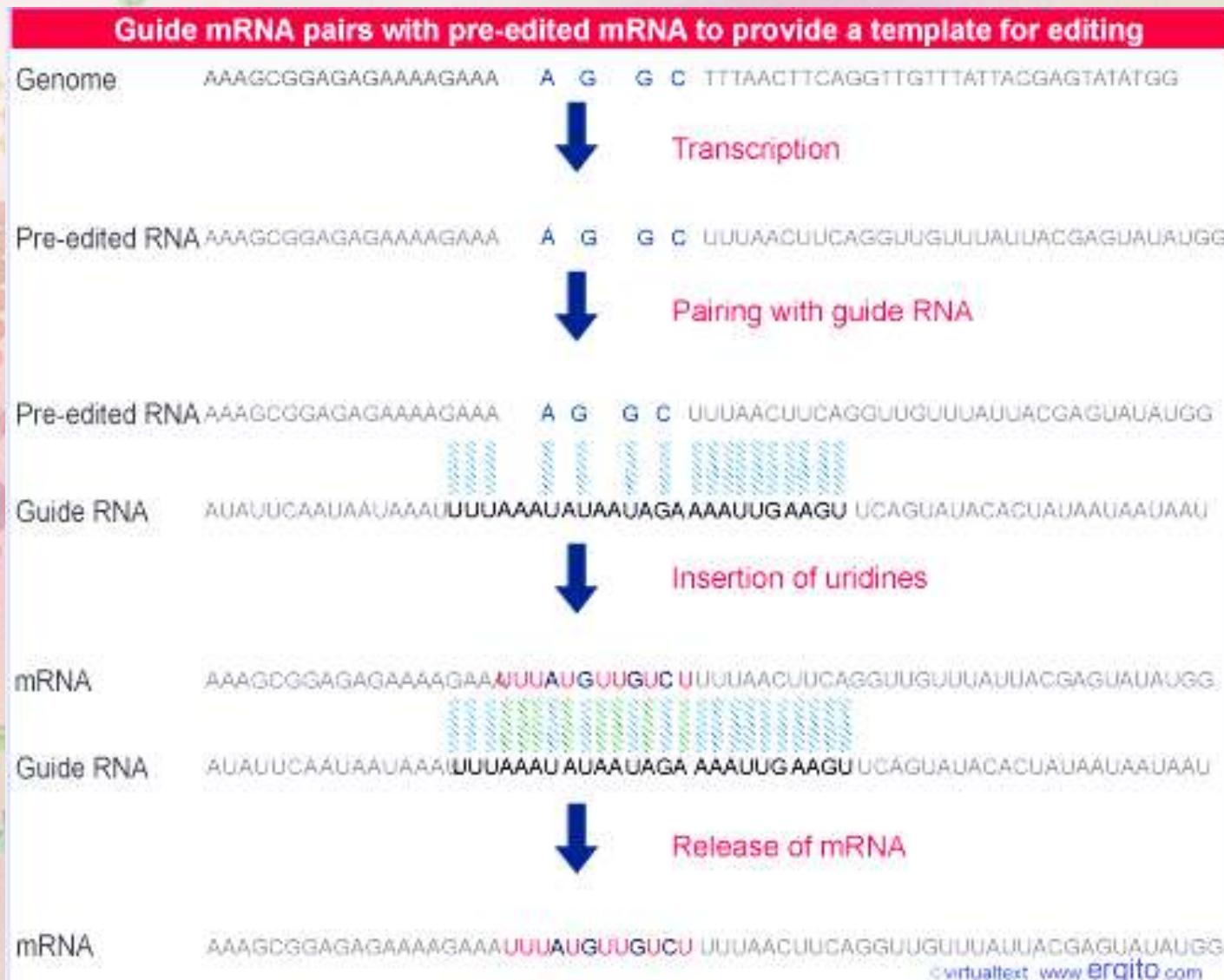
A

The diagram illustrates a tRNA molecule with a characteristic cloverleaf shape. The anticodon sequence is highlighted in red and is labeled as UUU. The rest of the nucleotides are shown in black.

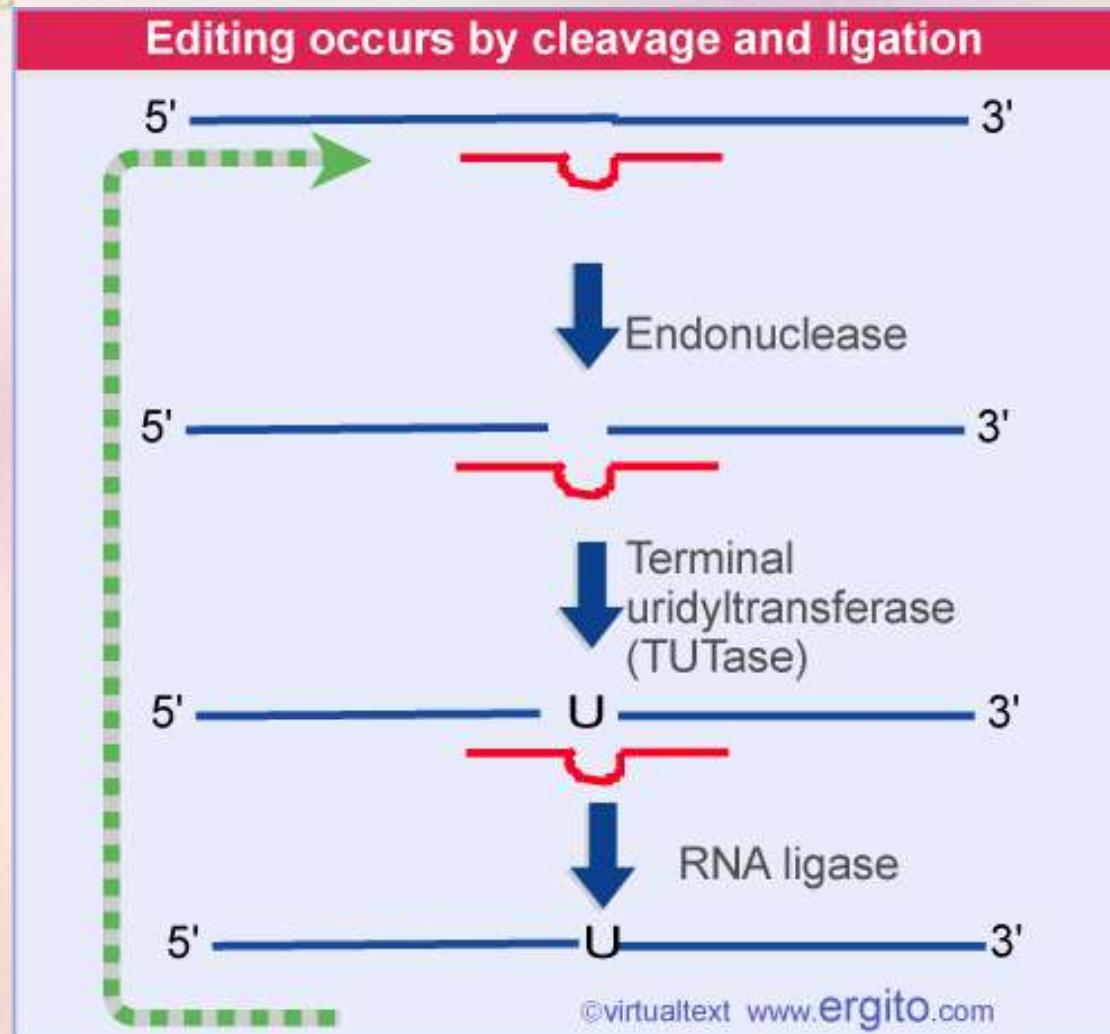
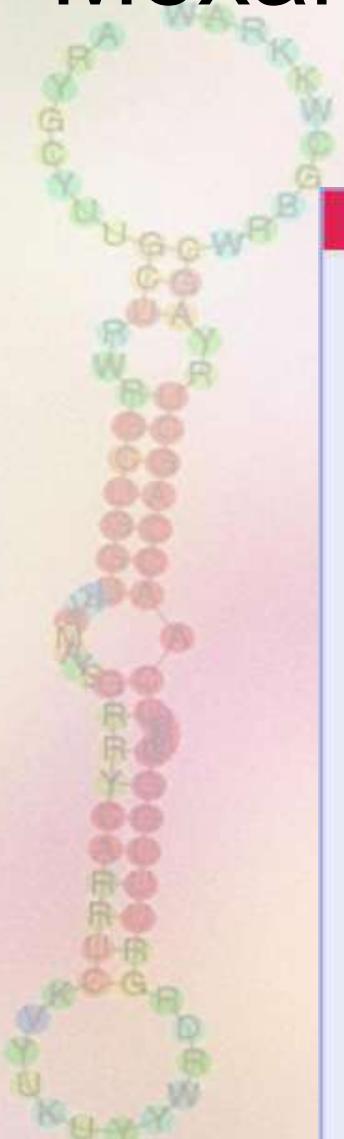
10

©virtualtext www.ergito.com

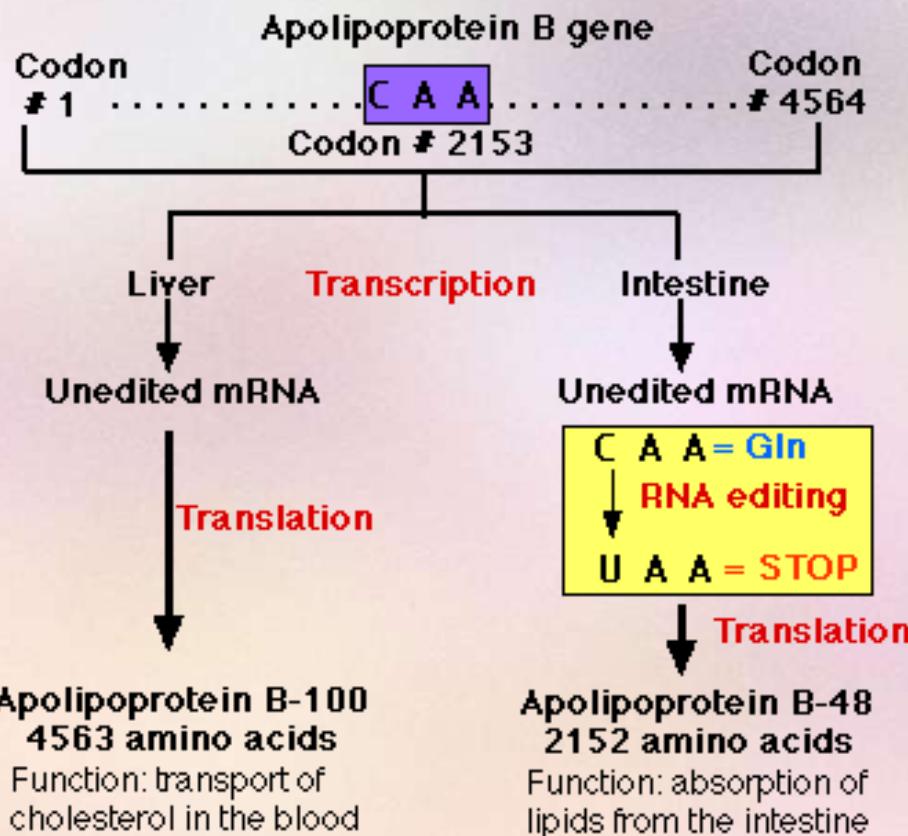
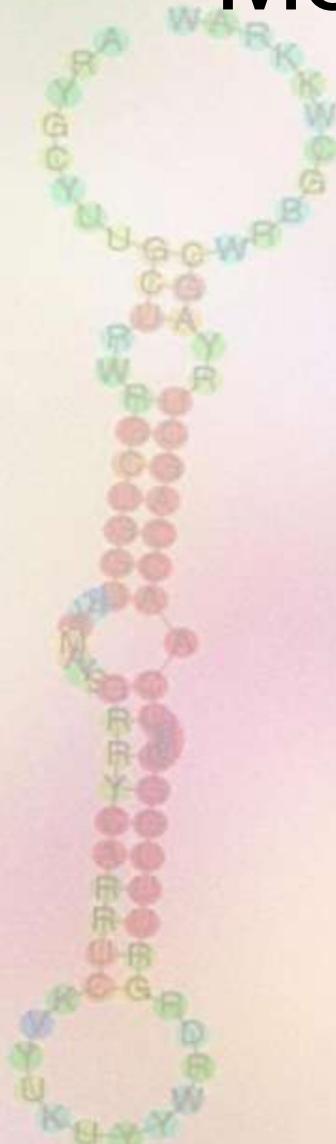
Механизм редактирования РНК у кинетопластид



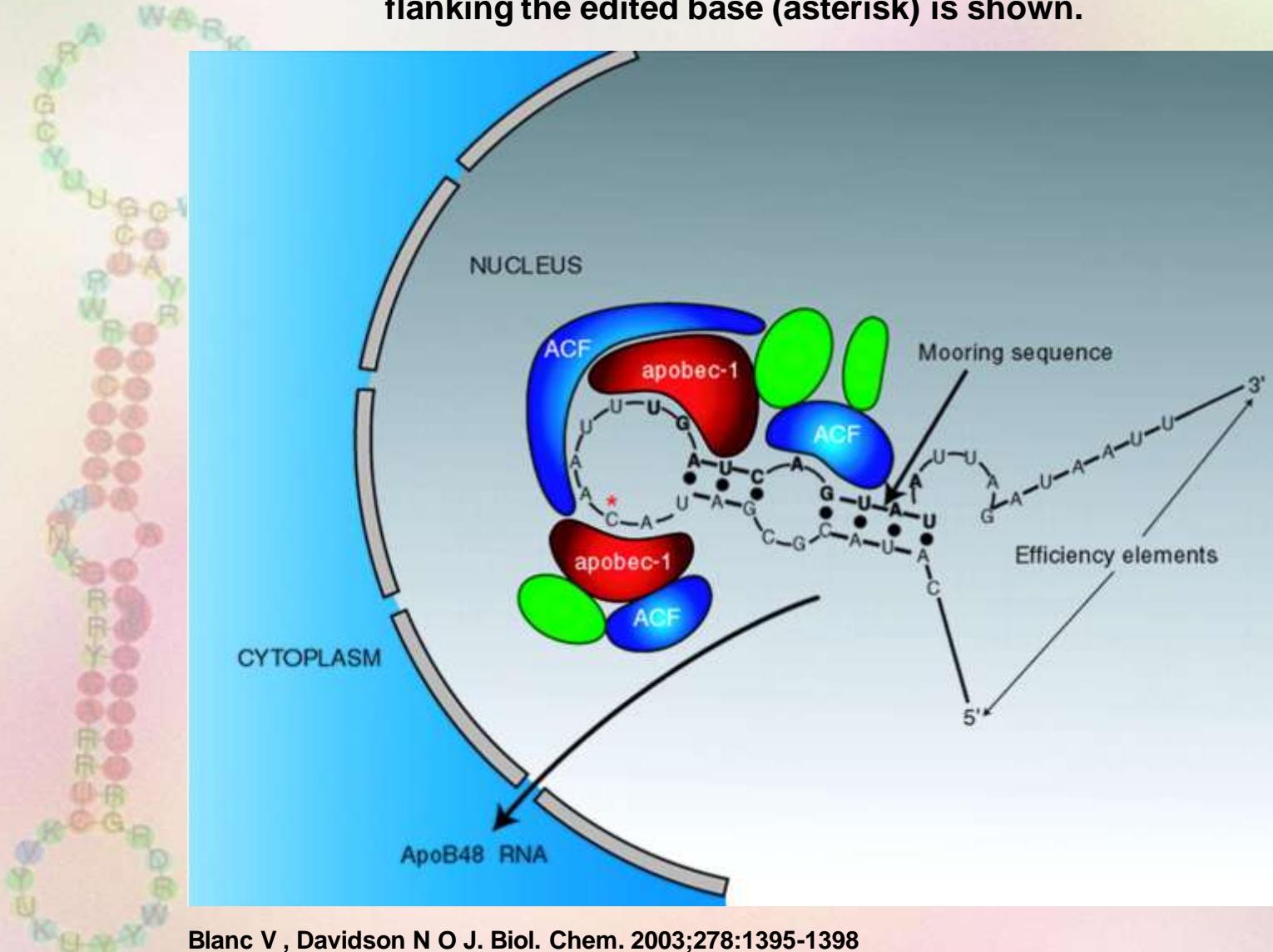
Механизм редактирования РНК у кинетопластид



Механизм редактирования С на У



C-to-U RNA editing of apolipoprotein B. The model for an ~35-nucleotide region of apoB RNA flanking the edited base (asterisk) is shown.

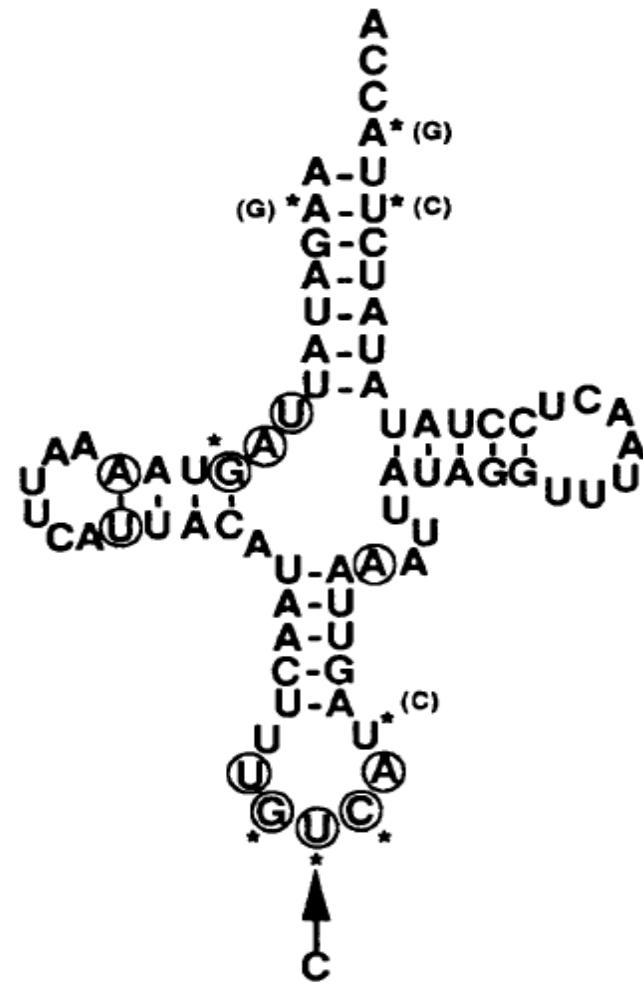


Blanc V , Davidson N O J. Biol. Chem. 2003;278:1395-1398

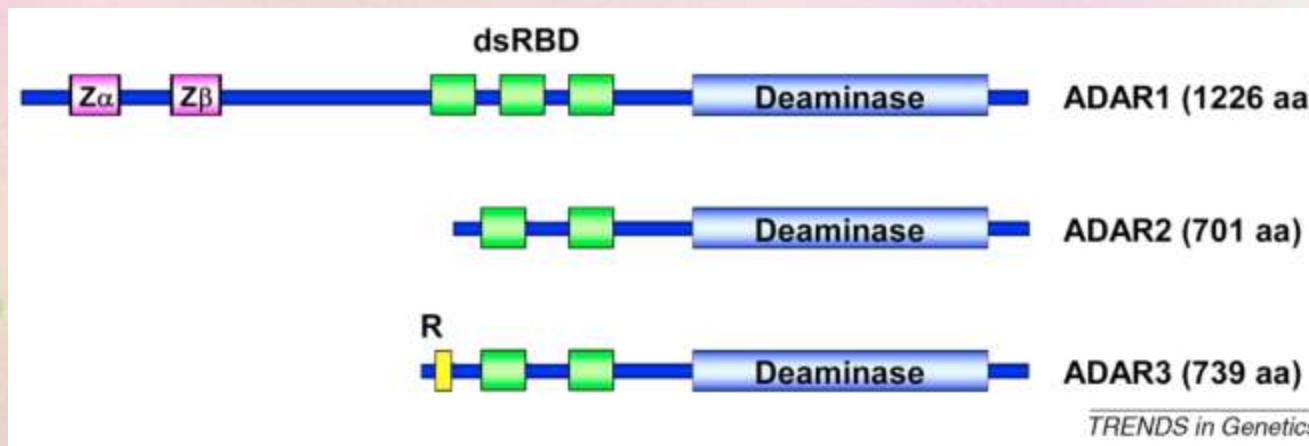
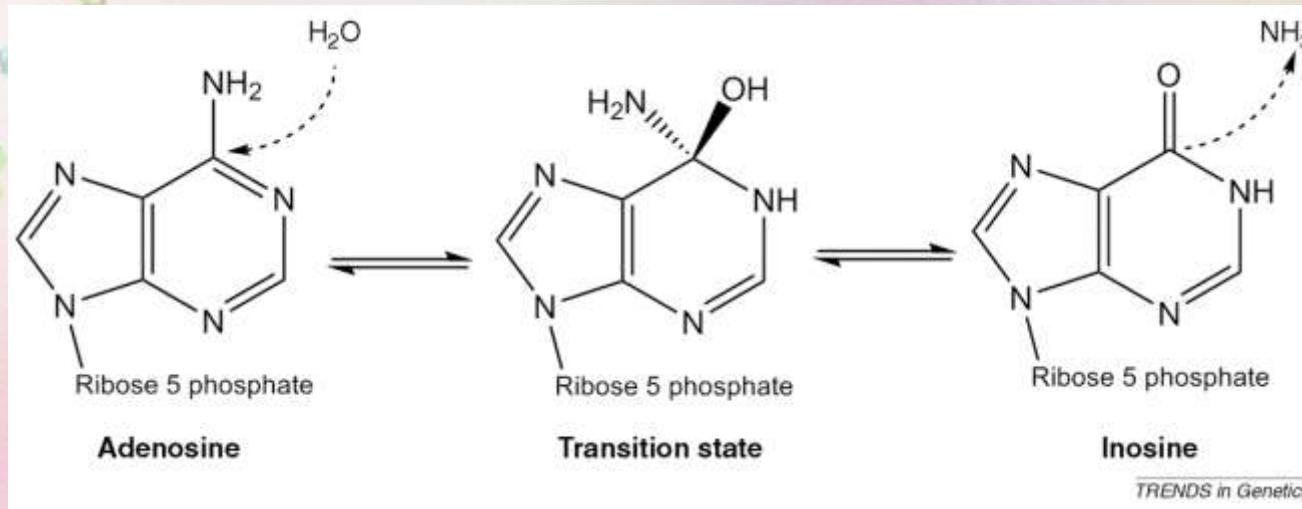
jbc

Редактирование тРНК

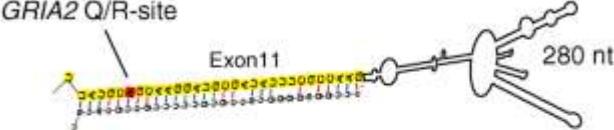
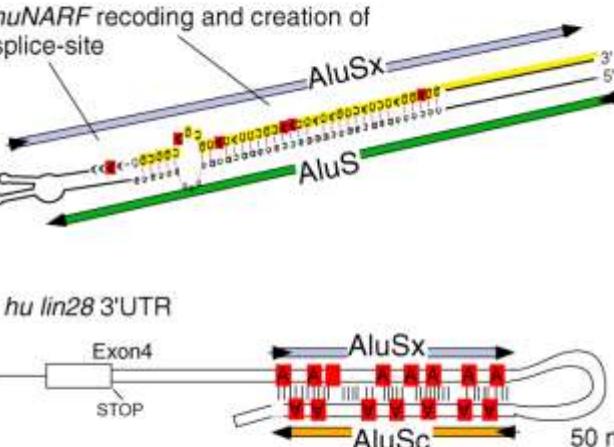
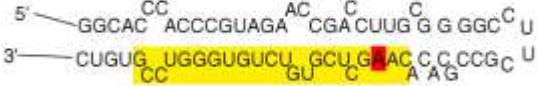
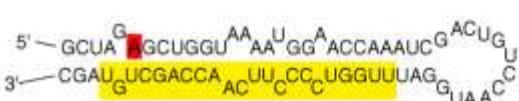
Основание в антикодоне	Основание в мРНК
A	U
C	G
G	C (или U)
U	A (или G)
I	A или C или U

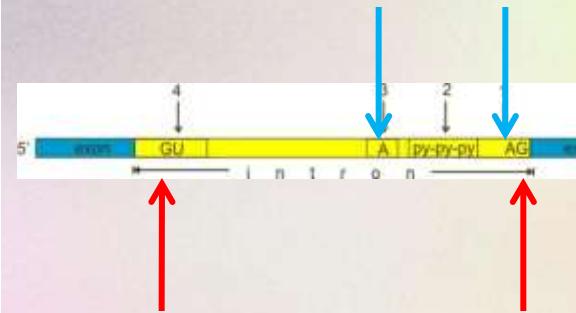


Аденозинdezаминазы эукариот (ADAR)

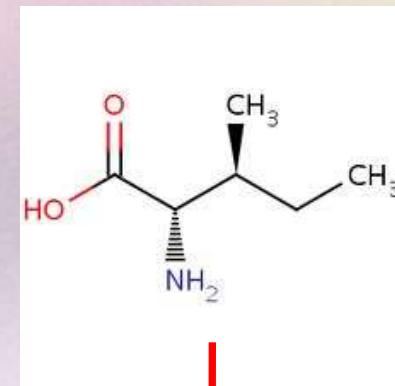
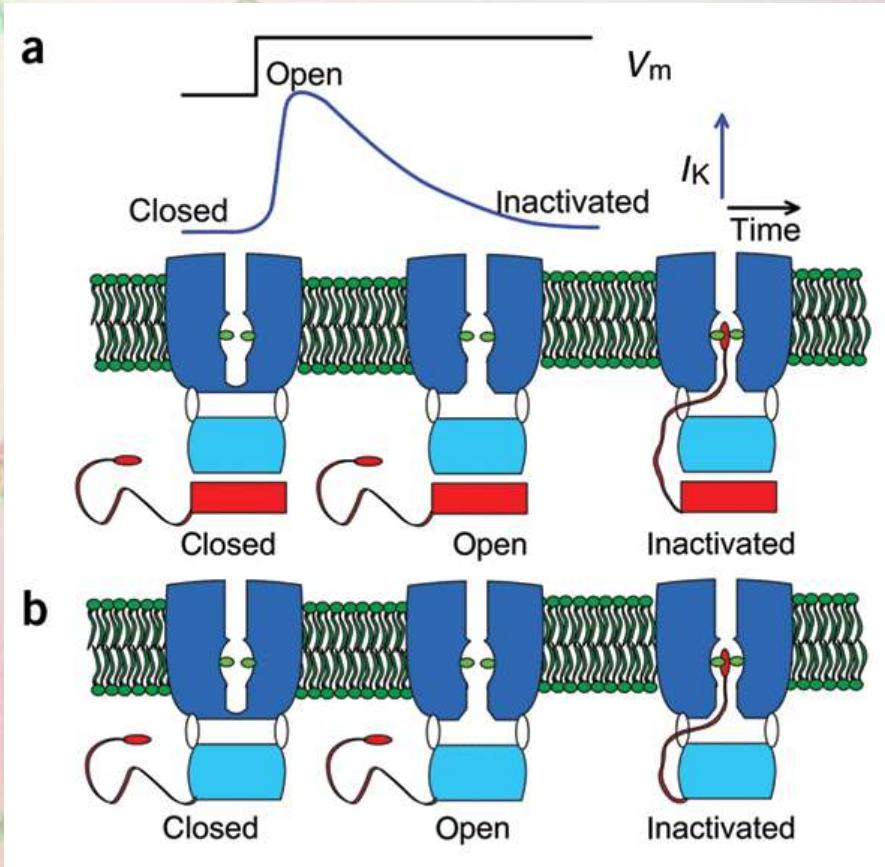


Основные мишени ADAR

Type of RNAediting	Examples
(a) Protein-coding pre-mRNAs	 <p>GRIA2 Q/R-site Exon 11 280 nt</p>
(b) Repetitive elements	 <p>huNARF recoding and creation of splice-site AluSx AluS</p> <p>hu lin28 3'UTR Exon4 STOP AluSx AluSc 50 nt</p>
c. microRNA precursors	<p>pri-miRNA-99b: seed-sequence modification</p>  <p>5' — GGCAC CC ACCCGUAGA AC CGACUUG G G GGC C U 3' — CUGUG UGGGUGUCU GU G C A C C CCGC U CC</p> <p>pri-miRNA-133a2: Drosha processing inhibition</p>  <p>5' — GCUA G GCUGGU AA U A GG A ACCAAAUC G ACUG U 3' — CGAU UCGACCA AC UU C C C UGGGUUAG G UAA C C</p>



Калиевый канал Kv 1.1

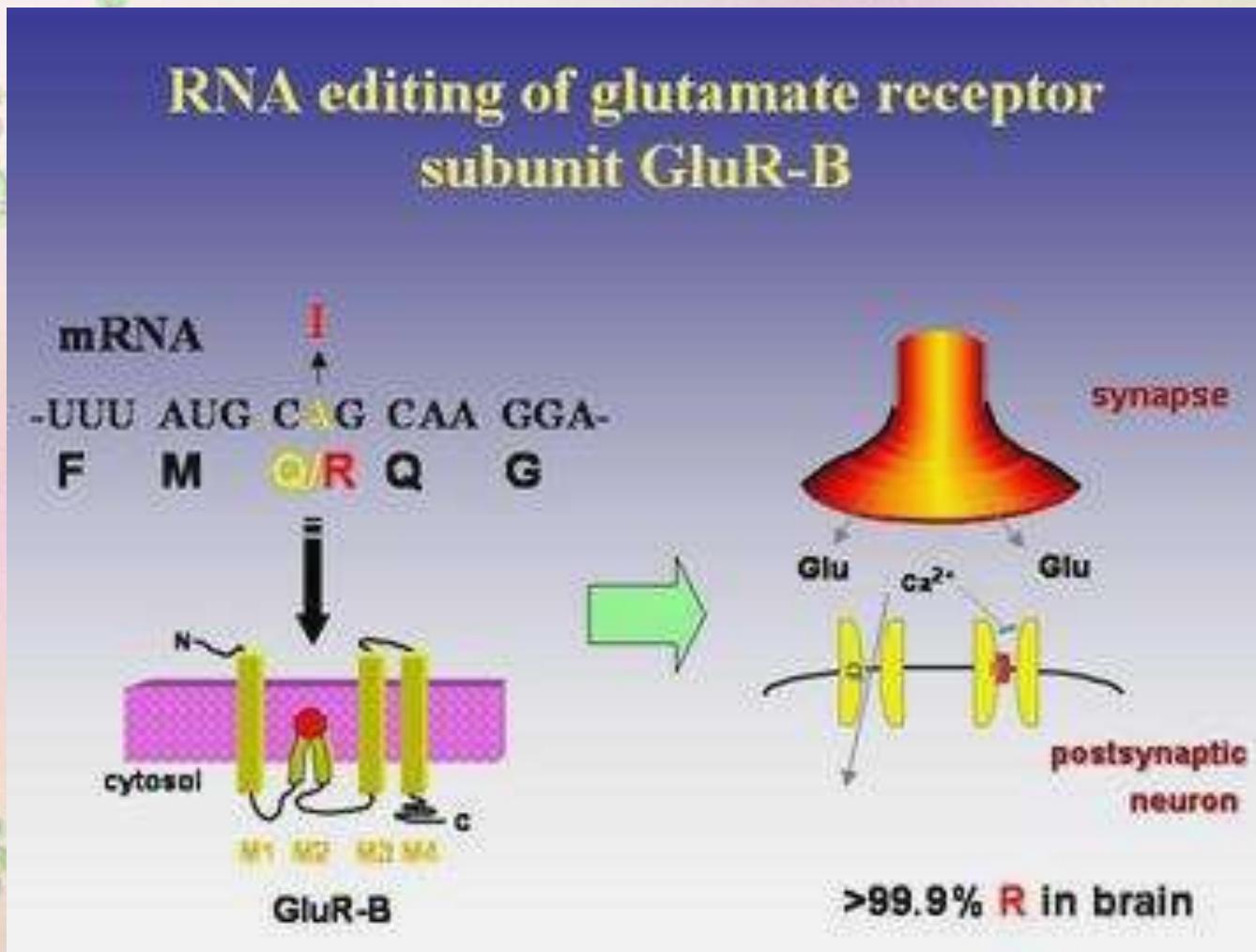


изолейцин



валин

АМРА-глутаматный рецептор

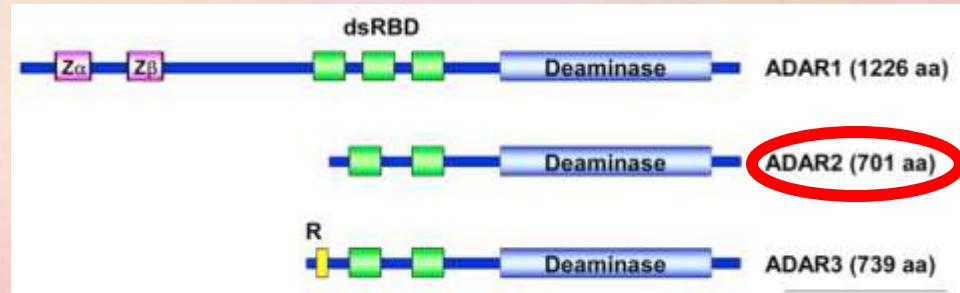
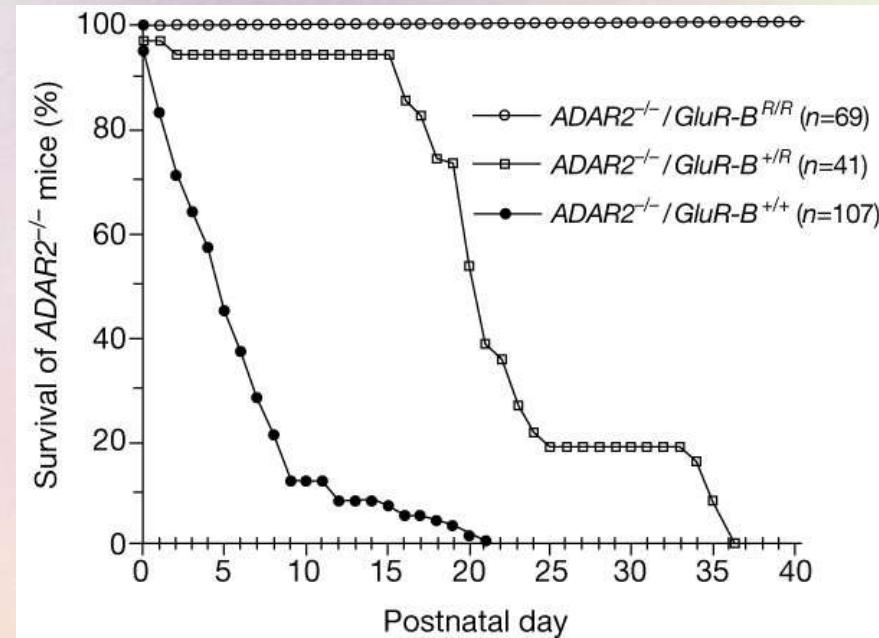
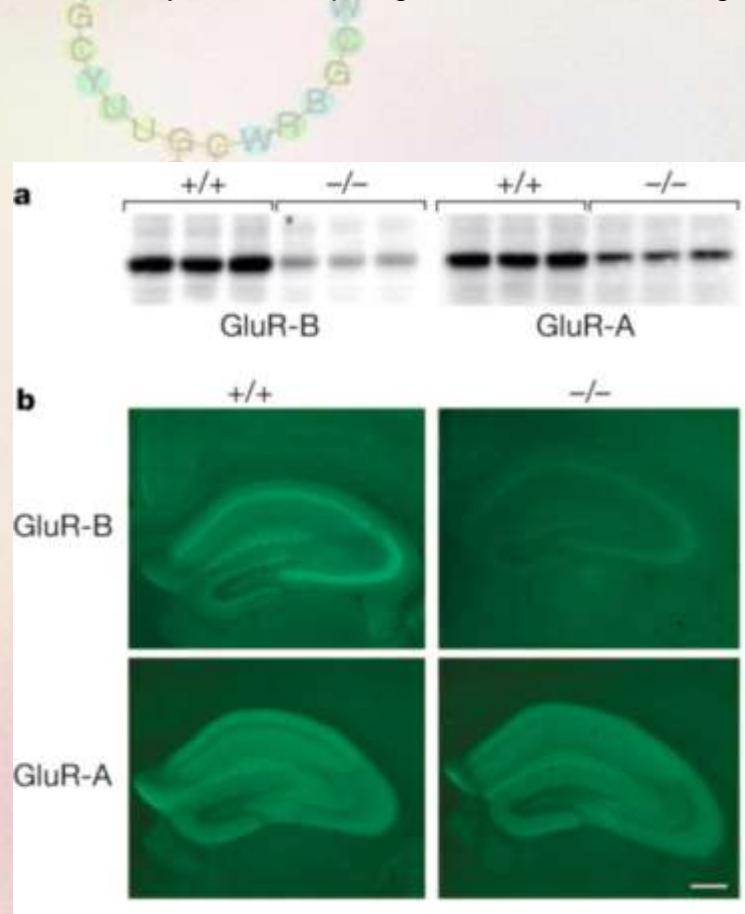


Letters to Nature

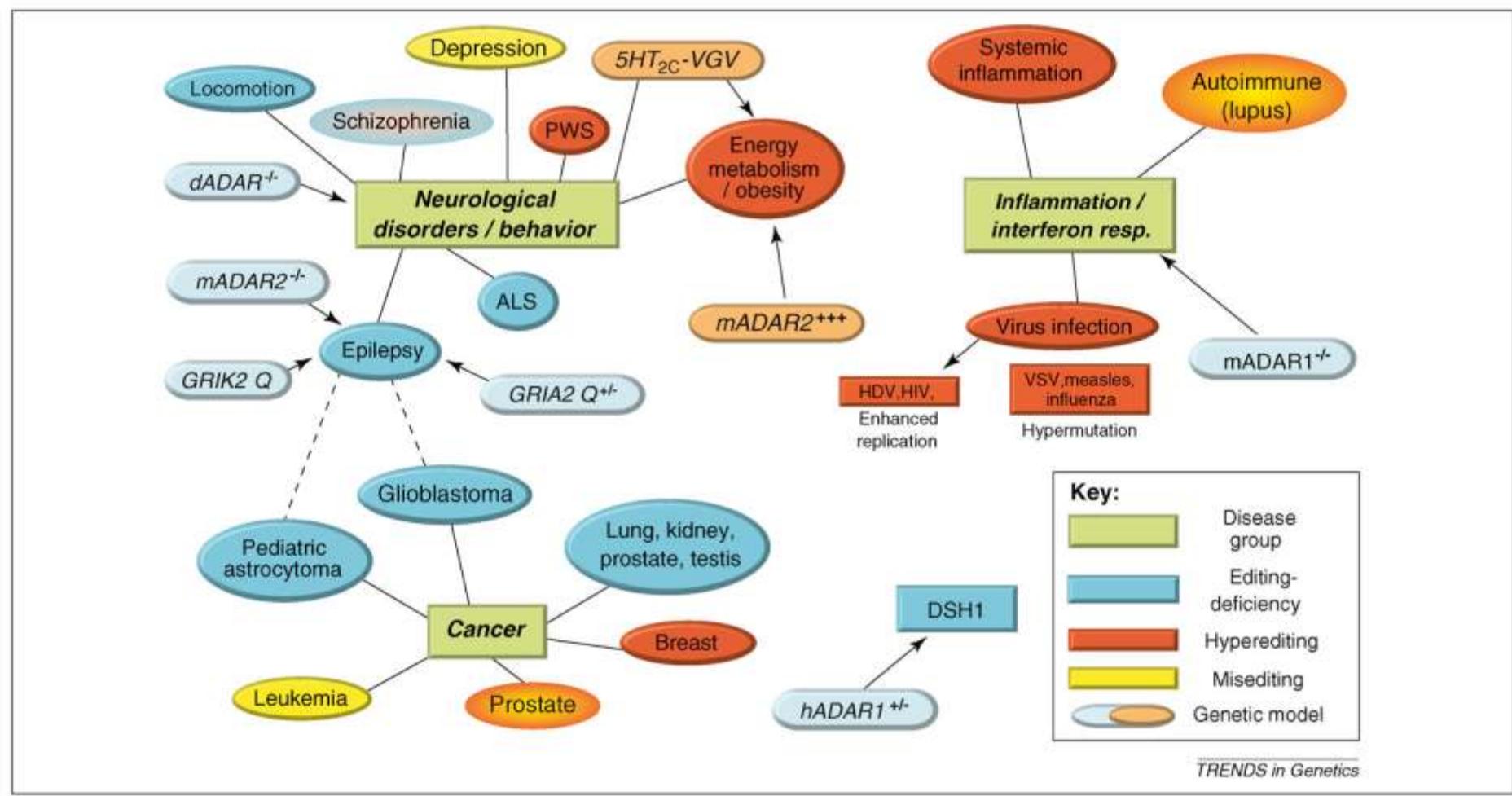
Nature **406**, 78-81 (6 July 2000) | doi:10.1038/35017558; Received 10 March 2000; Accepted 22 May 2000

Point mutation in an AMPA receptor gene rescues lethality in mice deficient in the RNA-editing enzyme ADAR2

Miyoko Higuchi¹, Stefan Maas^{1,2,3}, Frank N. Single^{1,2}, Jochen Hartner¹, Andrei Rozov⁴, Nail Burnashev⁴, Dirk Feldmeyer⁴, Rolf Sprengel¹ & Peter H. Seeburg¹



РНКр при патологии



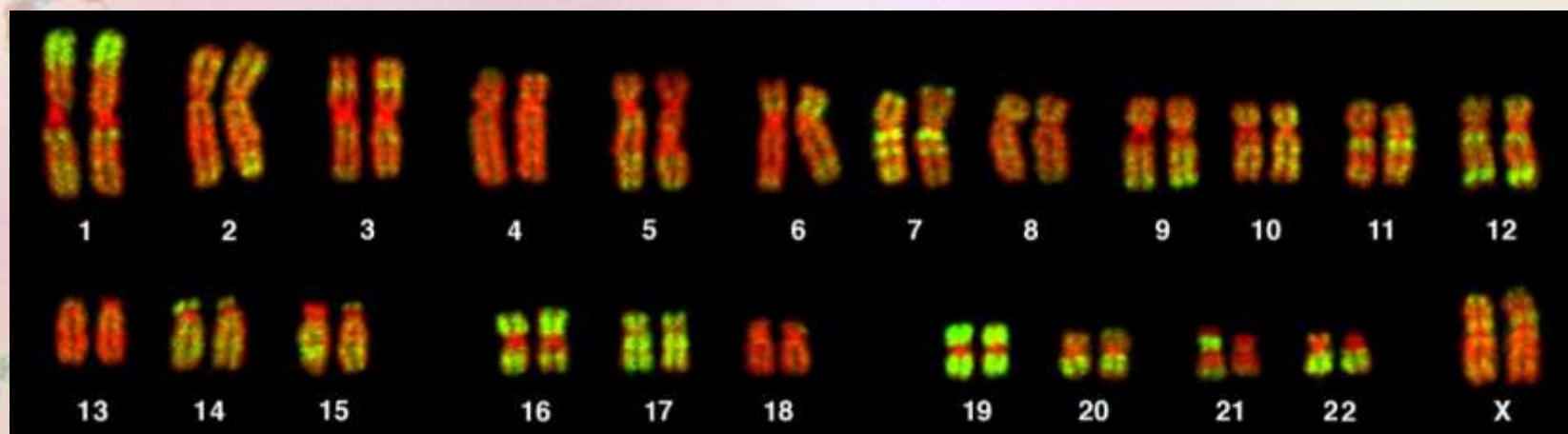
Alu повторы

60 млн лет назад появились в геноме приматов

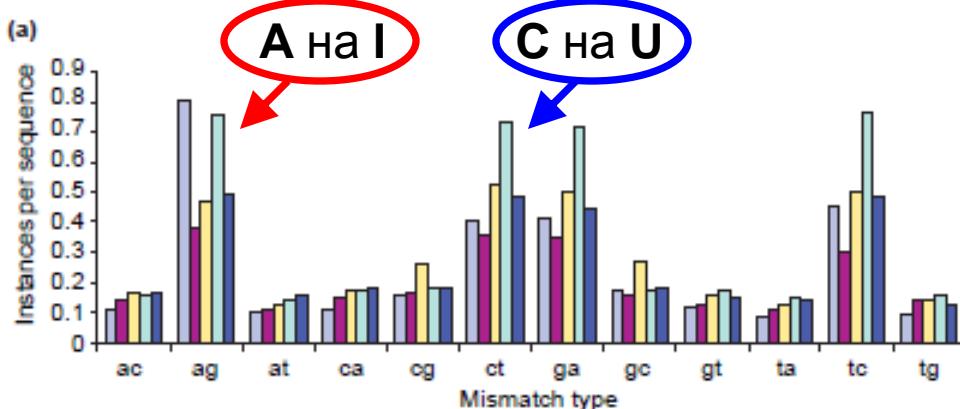
Около 300 пар оснований

10,7% генома человека

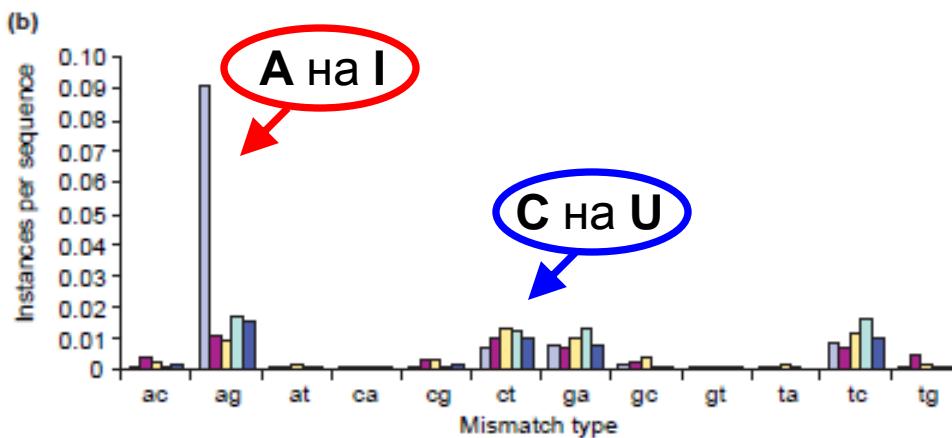
70-80% гомологии –консервативность выше, чем у других
млекопитающих



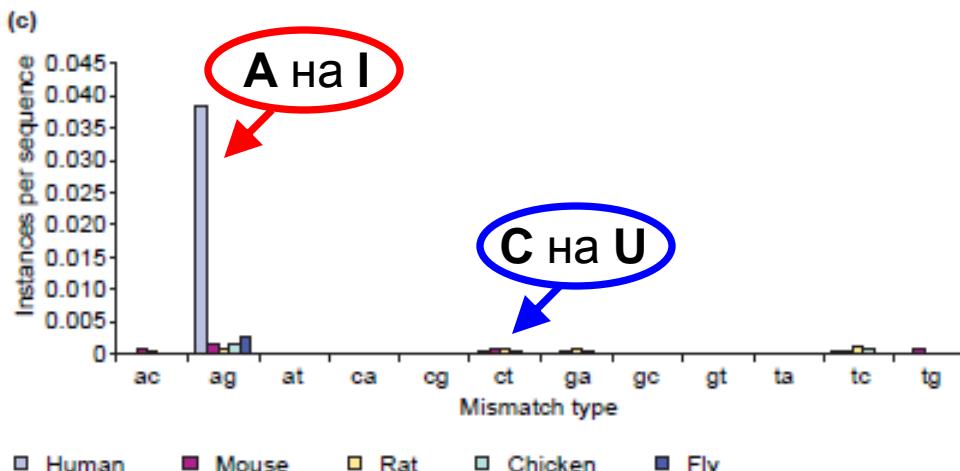
1 замена на транскрипт



3 замены на транскрипт

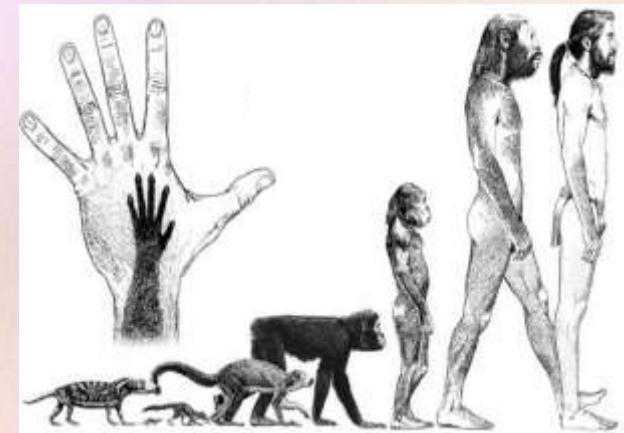
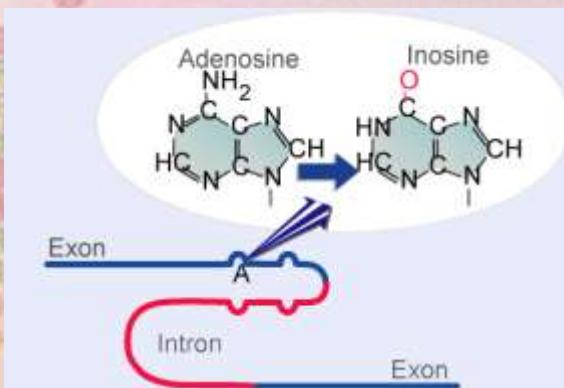
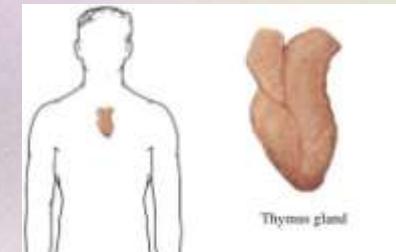


5 замен на транскрипт



□ Human ■ Mouse □ Rat □ Chicken ■ Fly

Роль в эволюции?



Главный Редактор:



Регулирует сплайсинг белка

Модифицирует функцию белка

Уничтожает ненужную РНК

Борется с вирусами

Тканеспецифически изменяет экспрессию белка

Управляет РНК-интерференцией

Влияет на эпигенетическую адаптацию и эволюцию

У Редактора нет ничего святого



Код ДНК не гарантирует аминокислотную последовательность белка: летят рамки считываания, появляются стоп-кодоны, заменяются одни аминокислоты на другие.

тРНК доставляет не те аминокислоты при трансляции

Сплайсинг белков происходит как попало – новые сайты сплайсинга возникают, старые исчезают

"Мусорная ДНК" особенно активно используется Редактором для работы продвинутых эволюционно видов (человек и приматы) и органов (мозг и тимус)

И всё это слаженно работает в организме, а нарушение всех этих процессов приводит к БОЛЬШИМ неприятностям!!!!

Литература

Molecular diversity through RNA editing: a balancing act
Sanaz Farajollahi and Stefan Maas
Trends in Genetics Vol.26 No.5 (2010)

RNA editing: a driving force for adaptive evolution? *Willemijn M. Gommans, Sean P. Mullen, Stefan Maas*
Bioessays. 2009 October ; 31(10): 1137–1145.

Is abundant A-to-I RNA editing primate-specific?
Eli Eisenberg, Sergey Nemzer, Yaron Kinar, Rotem Sorek, Gideon Rechavi and Erez Y. Levanon
TRENDS in Genetics Vol.21 No.2 (2005)

A scenic landscape featuring a large, dark green mountain range in the background. In the foreground, there is a calm, dark blue lake reflecting the sky. The sky is a clear, pale blue with scattered white and light grey clouds. The overall atmosphere is peaceful and natural.

СПАСИБО ЗА ВНИМАНИЕ!

НАДЕЮСЬ, ВСЕМ БЫЛО
ИНТЕРЕСНО!

- Remember the “good old days” when the central dogma ruled and nucleic acids were largely looked at as giant unalterable cellular blueprints? The more we learn about DNA and RNA, the more this doctrine looks like a quaint convention of a simpler time. Indeed, molecular biology today recognizes not only that RNA information can flow to DNA (reverse transcription), and that eukaryotic genes are usually in pieces in the DNA and must be spliced to make mature (and useful) RNA, but also that RNA itself can be altered in several nonsplicing mechanisms collectively referred to as editing. RNA editing is a phenomenon whose occurrence is now recognized to take place in most eukaryotic organisms. It varies from insertion of bases at specific places in mRNAs (mostly in simple eukaryotes) to chemical modification of bases in most other eukaryotes. The latter process most commonly involves conversion of adenosine to inosine by action of adenosine deaminase. At the A-to-I RNA Editing website, you’ll find everything you need to know about this latter process and gain insights into its significance for the cells that perform it.